

AYUDAS ECONÓMICAS PARA EL DESARROLLO DE PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN SOBRE DROGODEPENDENCIAS EN EL AÑO 2016.

| |
|---|
| INVESTIGADOR PRINCIPAL: JOSÉ PÉREZ DE LOS COBOS PERIS |
| Número de expediente: 2016I036 |
| Entidad: INSTITUT DE RECERCA DE L'HOSPITAL DE LA SANTA CREU I SANT PAU |
| Tipo de investigación: BÁSICA |
| Nombre del proyecto: Efecto de los polimorfismos de genes implicados en el perfil farmacodinámico y farmacocinético de la metadona sobre la satisfacción con este medicamento en pacientes dependientes de heroína con mala respuesta terapéutica. |
| Número de anualidades: 3 |
| 1ª anualidad: 21.229€ |
| 2ª anualidad: 2.415€ |
| 3ª anualidad: 4.508€ |
| Total concedido: 28.152€ |
| RESUMEN DEL PROYECTO: |
| <p>Antecedentes: El tratamiento de mantenimiento con metadona (TMM) de la adicción a la heroína es el abordaje farmacológico de esta adicción más frecuentemente utilizado en nuestro ámbito. Aunque el TMM ha demostrado ser eficaz, un grupo significativo de pacientes consume compulsivamente heroína o sustancias opioides durante el mismo. Esta mala respuesta terapéutica se asocia con un déficit de satisfacción con la metadona como un medicamento para tratar la adicción a la heroína. Las variantes de los genes implicados en los efectos de la metadona podrían influir sobre la satisfacción con este medicamento.</p> <p>Objetivo: Identificar en población española, los polimorfismos de genes implicados en la farmacocinética y farmacodinámica de la metadona que son predictores independientes de la satisfacción con este medicamento. Metodología: Los participantes serán 340 (289 ya reclutados) pacientes dependientes de heroína en tratamiento hospitalario de desintoxicación por consumo compulsivo de sustancias opioides, no opioides o ambas. La satisfacción con la metadona será evaluada mediante la Escala para Valorar la Satisfacción con las Medicaciones para el Tratamiento de las Adicciones - Metadona para la adicción a la Heroína (SASMAT-METHER). Los genes cuyos polimorfismos serán evaluados son CYP2B6, CYP3A4, CYP2D6 y ABCB1 en la vertiente farmacocinética y OPRM1, OPRD1, OPRK1 y DRD2/ANKK1 en la vertiente farmacodinámica. Las asociaciones entre la satisfacción con la metadona y los polimorfismos genéticos serán analizadas mediante modelos de regresión lineal en la que serán introducidos como covariantes los predictores clínicos de la satisfacción con metadona en pacientes que presentan mala respuesta a este medicamento.</p> |
| OBJETIVOS GENERALES Y ESPECÍFICOS |
| Objetivo general |
| Identificar los predictores farmacogenéticos de la satisfacción con la metadona como un medicamento para tratar la adicción a la heroína en pacientes con mala respuesta terapéutica. |



Objetivos específicos

Identificar en pacientes dependientes de heroína que presentan consumo compulsivo de sustancias de abuso durante el TMM, el efecto de los polimorfismos de los genes OPRM1, OPRD1, OPRK1, DRD2/ANKK1, CYP2B6, CYP2D6, CYP3A4 y ABCB1 sobre:

- Las puntuaciones totales de la SASMAT-METHER.
- Las puntuaciones de la subescala Funcionamiento Personal y Bienestar de la SASMATMETHER.
- Las puntuaciones de la subescala Efectos Antiadictivos sobre la Heroína de la SASMATMETHER.
- Las puntuaciones de la subescala Efectos Antiadictivos sobre otras Sustancias de la SASMATMETHER.

HIPÓTESIS

- Existen asociaciones entre las variantes de los genes implicados en el perfil farmacocinético y farmacodinámico de la metadona y la satisfacción del paciente dependiente de heroína con este medicamento.
- Existen polimorfismos farmacogenéticos que predicen la satisfacción con la metadona de forma independiente de los predictores clínicos de dicha satisfacción.